>MN099105 [organism=Lagenidium giganteum] cytochrome c oxidase subunit 1 (cox1) gene, partial cds; mitochondrial

TCATAAAGATATTGGTACTTTATATTTAATTTTTGGTGCTTTTTCTGGTGTAGTTGGTACAACTTTATCTATTTTAATTAGAATGGAATTAGCACAACCAGGTAATCAAATTTTTATGGGAAATCATCATTTATATAACGTGGTTGTAACTGCACATGCGTTTATTATGATTTTCTTTATGGTTATGCCTGTATTAATTGGTGGTTTTGGTAATTGGTTTATACCTTTAATGATTGGTGCTCCAGATATGGCTTTTCCAAGAATGAATAATATTAGTTTTTGGTTATTACCACCATCTTTATTATTATTAGTATCATCAGCTATAGTAGAATCAGGAGCAGGTACAGGTTGGACAGTATATCCACCTTTATCTAGTGTTCAAGCACACTCAGGACCTTCTGTAGATTTAGCTATTTTTAGTTTACATTTATCAGGTATTTCATCATTATTAGGTGCAATTAATTTTTTATCAACTATTTATAATATGAGAGCACCTGGTTTAAGTTTTCATAGATTGCCTTTATTTGTTTGGGCTATATTTATTACAGCTTTTTTATTATTATTAACATTACCTGTTTTAGCTGGTGCGATTACAATGTTATTAACTGATAGAAATTTAAATACTTCGTTTTATGATCCATCAGGAGGAGGAGATCCAGTGTTATATCAACATTTATTTTGTT

>MN099106 [organism=Unclassified Bromeliaceae P1] psbA-trnH intergenic spacer, partial sequence

TTTCTCTTTTTTCCATTCATCATTATTGTATTTATTCTGACCTCCATACTTAGATCGAGATATTGGACATAGAATGCCAATCTTTAAAATGTAAAAAAAAGGAGTAATCAGCTGTGACACGTTCACTAAAAAAAAATCCTTTTGTAGCTAATCATTTAGCGGG

>MN099107 [organism=Unclassified Bromeliaceae P2] psbA-trnH intergenic spacer, partial sequence

GCAAGATATTGGGTATTTTTTCTTCTCAATTTTTCTATTCTTAATTCCAAATTCCAATTAACTTAATTAACGACGAGATTTATTATCGTTTCTTGCATGTCTCGCGAAAGTCAGAGTAGGCGCGAATTCTCCCAATTTGTGACCTACCATACGATCTGTTATATAAATAGGTAAATGTTCCTTTCCATTATGAATAGCGATTGTATGGCCAATCATTGTGGGTATAATGGTAGATGCCCGAGACCAAGTTACTATTATTTCTTTCTCCTCCCTCATGTTGAGTTTTTCAAATTTTTCCCGCTAAATGATTAGCTACGAAAAGGATTTTTTTTTAGTGAACGTGTCACGAGCTGATTACTCCTTTTTTTTT

>MN099108 [organism=Unclassified Bromeliaceae P3] psbA-trnH intergenic spacer, partial sequence

GGAAGGAACAATACCCAATATCTTGCTAAACAAGATATTGGGTATTTTTTCTTCTCAATTTTTCTATTCTTAATTCCAAATTCCAATTAACTTAATTAACGACGAGATTTATTATCGTTTCTTGCATGTCTCGCGAAAGTCAGAGTAGGCGCGAATTCTCCCAATTTGTGACCTACCATACGATCTGTTATATAAATAGGTAAATGTTCCTTTCCATTATGAATAGCGATTGTATGGCCAATCATTGTGGGTATAATGGTAGATGCCCGAGACCAAGTTACTATTATTTCTTTCTCCTCCCTCATGTTGAGTTTTTCAATTTTTCCCGCTAAATGATTAGCTACAAAAGGATTTTTTTTTAGTGAACGTGTCACAGCTGATTACTCCTTTTTTTTTTACATTTTAAAGATTGGCATTCTATGTCCAATATCTCGATCTAAGTATGGAGGTCAGAATAAATACAATAATGATGAATGGAAAAAAGATAAAATCC

>MN099109 [organism=Unclassified Bromeliaceae P4] psbA-trnH intergenic spacer, partial sequence

TACAAATGGATAACACAGAAGTCTTAATGTATATGAATTAAGAAAAAATACCCAATATCTTGTTTAGCAAGATATTGGGTATTTTTTCTTCCTTTGTTTGATTCACATCTATTTTTTTTTCTATTCTTAATTCCAAATTCCAATTAACTTAACGACGAGATTTATTATCGTTTCTTGCATGTCTCGCGAAAGTCAGAGTAGGCGCAAATTCTCCCAATTTGTGACCTACCATACGATCTGTTATATAAATAGGTAAATGTTCCTTTCCATTATGAATAGCGATTGTATGGCCAATCATTGTGGGTATAATGGTAGATGCCCGAGACCAAGTTACTATTATTTCTTTCTCCTCCCTCATGTTGAGTTTTTCAATTTTTCCCGCTAAATGATTAGCTACAAAAGGATTTTTTTTTAGTGAACGTGTCACAGCTGATTACTCCTTTTTTTTTACATTTTAAAGATTGGCATTCTATGTCCAATATCTCGATCTAAGTATGGAGGTCAGAATAAATACAATAATGATGAATGGAAAAAAGAGAAAATCCTTTAGCTAGATAAGATAAGGGGCGGATGTAGCCAAGTGGATCAAAGGCAGTA

>MN099110 [organism=Unclassified Bromeliaceae P1] trnC-petN intergenic spacer, partial sequence

TTCTTATTCTACTGATAGAATAGAACTCGACAAATTCTTGCCCTGCATAAGCAAAGGCAAAGGACGGGGCTTGTCGATACTTGATTTATAGAATACATAGTTCTATAAAAGACTGTAAGTTGTTTTCTCAAAATCTGGCTCTGTTTGGGTTCTGGGTAGCGGCCCAAACAGATATACCAATAGGGATGAGGTAAGGCTTACTTATTAATTCCAGAACTACGAAAGTAAGAGGTCAGAAATCTTGGTATCCAAAGGTTCCTAAAGGACATTCCATTTTTGCTCCTAGGATTGAAGAAAAGATTATATGAAAGACTGTCAAGTCTTCCTAATTATCTTACACTACCTACACTAACGTAGGGTCTACTGACTCTGTCTGGAATTAGATTGGATAGGCTGATGGGAAATCAATTTAGGAGTTGTGGAAAGGACTGAAGATACTTTGTATCCATACTTACGAGAAACTCCGAGTACTCAAACATTCAATCAGGGTGGTTGGTCGGCTCTTATCTTATAGAATAACAGAGTAAAAGTAAAAAAAAAA

>MN099111 [organism=Unclassified Bromeliaceae P2] trnC-petN intergenic spacer, partial sequence

ATTCTACTGATAGATTCTTATTCTACTGATAGAATAGAACTCGACAAATTCTTGCCCTGCAGAAGCAAAGGCAAAGGACTGAGCTTGTCGATACTTGATTTATAGAATACATAGTTCTATAAAAGACTGTAAGTTGTTTTCTCAAAATCTGGCTCTGTTTGGGCCCGCTACCCAGAACCCAAACAGATATACCAATAGGGATGAGGTAAGGCTTACTTAGTAATTCCAGAACTACGAAAGTAAGAGGTCAGAAATCTTGGTATCCAAAGGTTCCTAAGGGACATTCCTTTTTTGCTCCTAGGATTGAAGAAAAGATTATACGAAAGACTGTCAAGACTTCCTAATTATCTTACACTACCTACACTAACGTAGGGTCTACTGACTCTGTCTGGAATTAGATTGG

>MN099112 [organism=Unclassified Bromeliaceae P3] trnC-petN intergenic spacer, partial sequence

ATTTCTTATTCTACTGATAGATTCTTATTCTACTGATAGAATAGAACTCGACAAATTCTTGCCCTGCAGAAGCAAAGGCAAAGGACTGAGCTTGTCGATACTTGATTTATAGAATACATAGTTCTATAAAAGACTGTAAGTTGTTTTCTCAAAATCTGGCTCTGTTTGGGCCGCTACCCAGAAACCAAACAGATATACCAATAGGGATGAGGTAAGGCTTACTTGGGAATTCCAGAACTACGAAAGTAAGAGGTCAGAAATCTTGGTATCCAAAGGTTTCTAAGGGACATTCCTTTTTTGCTCCTAGGATTGAAGAAAAGATTATACGAAAGACTGTCAAGACTTCCTAATTATCTTACACTACCTACACTAACGTAGGGTCTACTGATTCTGTCTGGAATTAGATTGGATAGGCTGATGGGAAATCAATTTAGGAGTTGTGGAAAGGACTGAAGATACTTTGTATCCATACTTACGAGAGACTCCGAGTACTCAAACATTCAATCAGGATGGTTGGTCGGCTCTTATCTTATAGAATAACAGAGTAAAAGTCAAAGT

>MN099113 [organism=Unclassified Bromeliaceae P4] trnC-petN intergenic spacer, partial sequence

TAATTCCAGAACTACGAAAGTAAGAGGTCAGAAATCTTGGTATCCAAAGGTTCCTAAAGGACATTCCATTTTTGCTCCTAGGATTGAAGAAAAGATTATACGAAAGACTGTCAAGACTTCCTAATTATCTTACACTACCTACACTAACGTAGGGTCTACTGACCCTGTCTGGAATTAGATTGGATAGGCTGATGGGAAATCAATTTAGGAGTTGTGGAAAGGACTGAAGATACTTTGTATCCATACTTATGAGAGACTCCGAGTACTCAAACATTCAATCAGGATGGTTGGTCGGCTCTTATCTTATAGAATAACAGAGTAAAAGTCAAAGTAAAAAAAAAAAAAAGATTTCTTTGGTCGTGTAAGGAGATTACAAAAAAAATGTATGTAATAATGGGAAGTGATGTCTTCCCATTCTTTCACAGAAAGAAAGACAGTAAGGCTTAGATCAAATAGGAAATGTAGGTATCCAATAGATAGTTATCTATCTTGATGGTATATTTTTTTTTTATTTTTGCTTATGAAAGAAAGGTAACAAAACAAACAATAGGTCTTGCTATTCCCACATGTTCCATTAGGAGCATTCCTTTGCATTTTCAGGAAAAGGTGTGTGTATCGTATTTTTACTTAATACTTCCCAA

>MN099114 [organism=Lagenidium sp. 1] [CLONE=P1A] Uncultured Lagenidium sp. cytochrome c oxidase subunit 1 (cox1) gene, partial cds

ATGCGTTTATTATGATTTTCTTTATGGTTATGCCTGTATTAATTGGTGGTTTTGGTAATTGGTTTATACCTTTAATGATTGGTGCTCCAGATATGGCTTTTCCAAGAATGAATAATATTAGTTTTTGGTTATTACCACCATCTTTATTATTATTAGTATCATCAGCTATAGTAGAATCAGGAGCAGGTACAGGTTGGACAGTATATCCACCTTTATCTAGTGTTCAAGCACACTCAGGACCTTCTGTAGATTTAGCTATTTTTAGTTTACATTTATCAGGTATTTCATCATTATTAGGTGCAATTAATTTTTTATCAACTATTTATAATATGAGAGCACCTGGTTTAAGTTTTCATAGATTGCCTTTATTTGTTTGGGCTATATTTATTACAGCTTTTTTATTATTATTAACATTACCTGTTTTAGCTGGTGCGATTACAATGTTATTAACTGATAGAAATTTGAATACTTCGTTTTATGATCC

>MN099115 [organism=Lagenidium sp. 2] [CLONE=P1B] Uncultured Lagenidium sp. cytochrome c oxidase subunit 1 (cox1) gene, partial cds

ATGCGTTTATTATGATTTTCTTTATGGTTATGCCTGTATTAATCGGTGGTTTTGGTAACTGGTTTATACCTTTAATGATAGGTGCACCTGATATGGCTTTCCCAAGAATGAATAATATTAGTTTTTGGTTATTACCTCCATCATTATTATTATTAGTATCATCTGCTATTGTGGAATCTGGTGCGGGTACAGGTTGGACTGTATATCCACCATTATCTAGTGTTCAAGCACACTCAGGACCTTCAGTAGATTTAGCTATTTTTAGTTTACATTTATCAGGTATTTCTTCATTATTAGGAGCAATTAATTTCTTATCAACTATTTATAATATGAGAGCTCCTGGTTTAAGTTTTCATAGATTACCTTTATTTGTTTGGGCTATATTTATTACAGCTTTCTTATTATCGTTAACTTTACCTGTATTAGCTGGTGCAATTACTATGTTATTAACTGATAGAAATTTAAATACTTCATTTTATGATCC

>MN099116 [organism=Lagenidium sp. 3] [CLONE=P1C] Uncultured Lagenidium sp. cytochrome c oxidase subunit 1 (cox1) gene, partial cds

ATGCGTTTATTATGATTTTCTTTATGGTTATGCCTGTATTAATCGGTGGTTTTGGTAACTGGTTTATACCTTTAATGATAGGTGCACCTGATATGGCTTTCCCAAGAATGAATAATATTAGTTTTTGGTTATTACCTCCATCATTATTATTATTAGTATCATCTGCTATTGTGGAATCTGGTGCGGGTACAGGTTGGACTGTATATCCACCATTATCTAGTGTTCAAGCACACTCAGGACCTTCAGTAGATTTAGCTATTTTTAGTTTACATTTATCAGGTATTTCTTCATTATTAGGAGCAATTAATTTCTTATCAACTATTTATAATATGAGAGCTCCTGGTTTAAGTTTTCATAGATTACCTTTATTTGTTTGGGCTATATTTATTACAGCTTTCTTATTATCGTTAACTTTACCTGTATTAGCTGGTGCAATTACTATGTTATTAACTGATAGAAATTTAAATACTTCATTTTATGATCC

>MN099117 [organism=Lagenidium sp. 4] [CLONE=P2A] Uncultured Lagenidium sp. cytochrome c oxidase subunit 1 (cox1) gene, partial cds

ATGCGTTTATTATGATTTTCTTTATGGTTATGCCTGTATTAATTGGTGGTTTTGGTAATTGGTTTATACCTTTAATGATTGGTGCTCCAGATATGGCTTTTCCAAGAATGAATAATATTAGTTTTTGGTTATTACCACCATCTTTATTATTATTAGTATCATCAGCTATAGTAGAATCAGGAGCAGGTACAGGTTGGACAGTATATCCACCTTTATCTAGTGTTCAAGCACACTCAGGACCTTCTGTAGATTTAGCTATTTTTAGTTTACATTTATCAGGTATTTCATCATTATTAGGTGCAATTAATTTTTTATCAACTATTTATAATATGAGAGCACCTGGTTTAAGTTTTCATAGATTGCCTTTATTTGTTTGGGCTATATTTATTACAGCTCTTTTATTATTATTAACATTACCTGTTTTAGCTGGTGCGATTACAATGTTATTAACTGATAGAAATTTAAATACTTCGTTTTATGATCC

>MN099118 [organism=Lagenidium sp. 5] [CLONE=P2B] Uncultured Lagenidium sp. cytochrome c oxidase subunit 1 (cox1) gene, partial cds

ATGCGTTTATTATGATTTTCTTTATGGTTATGCCTGTATTAATTGGTGGTTTTGGTAATTGGTTTATACCTTTAATGATTGGTGCTCCAGATATGGCTTTTCCAAGAATGAATAATATTAGTTTTTGGTTATTACCACCATCTTTATTATTATTAGTATCATCAGCTATAGTAGAATCAGGAGCAGGTACAGGTTGGACAGTATATCCACCTTTATCTAGTGTTCAAGCACACTCAGGACCTTCTGTAGATTTAGCTATTTTTAGTTTACATTTATCAGGTATTTCATCATTATTAGGTGCAATCAATTTTTTATCAACTATTTATAATATGAGAGCACCTGGTTTAAGTTTTCATAGATTGCCTTTATTTGTTTGGGCTATATTTATTACAGCTTTTTTATTATTATTAACATTACCTGTTTTAGCTGGTGCGATTACAATGTTATTAACTGATAGAAATTTAAATACTTCGTTTTATGATCC

>MN099119 [organism=Lagenidium sp. 6] [CLONE=P2C] Uncultured Lagenidium sp. cytochrome c oxidase subunit 1 (cox1) gene, partial cds

ATGCGTTTATTATGATTTTCTTTATGGTTATGCCTGTATTAATTGGTGGTTTTGGTAATTGGTTTATACCTTTAATGATTGGTGCTCCAGATATGGCTTTTCCAAGAATGAATAATATTAGTTTTTGGTTATTACCACCATCTTTATTATTATTAGTATCATCAGCTATAGTAGAATCAGGAGCAGGTACAGGTTGGACAGTATATCCACCTTTATCTAGTGTTCAAGCACACTCAGGACCTTCTGTAGATTTAGCCATTTTTAGTTTACATTTATCAGGTATTTCATCATTATTAGGTGCGATTAATTTTTTATCAACTATTTATAATATGAGAGCACCTGGTTTAAGTTTTCATAGATTGCCTTTATTTGTTTGGGCTATATTTATTACAGCTTTTTTATTATTATTAACATTACCTGTTTTAGCTGGTGCGATTACAATGTTATTAACTGATAGAAATTTAAATACTTCGTTTTATGATCC

>MN099120 [organism=Lagenidium sp. 7] [CLONE=P3A] Uncultured Lagenidium sp. cytochrome c oxidase subunit 1 (cox1) gene, partial cds

ATGCGTTTATTATGATTTTCTTTATGGTTATGCCTGTATTAATCGGTGGTTTTGGTAACTGGTTTATACCTTTAATGATAGGTGCACCTGATATGGCTTTCCCAAGAATGAATAATATTAGTTTTTGGTTATTACCTCCATCATTATTATTATTAGTATCATCTGCTATTGTGGAATCTGGTGCGGGTACAGGTTGGACTGTATATCCACCATTATCTAGTGTTCAAGCACACTCAGGACCTTCAGTAGATTTAGCTATTTTTAGTTTACATTTATCAGGTATTTCTTCATTATTAGGAGCAATTAATTTCTTATCAACTATTTATAATATGAGAGCTCCTGGTTTAAGTTTTCATAGATTACCTTTATTTGTTTGGGCTATATTTATTACAGCTTTCTTATTATTGTTAACTTTACCTGTATTAGCTGGTGCAATTACTATGTTATTAACTGATAGAAATTTAAATACTTCATTTTATGATCC

>MN099121 [organism=Lagenidium sp. 8] [CLONE=P3B] Uncultured Lagenidium sp. cytochrome c oxidase subunit 1 (cox1) gene, partial cds

ATGCGTTTATTATGATTTTCTTTATGGTTATGCCTGTATTAATCGGTGGTTTTGGTAACTGGTTTATACCTTTAATGATAGGTGCACCTGATATGGCTTTCCCAAGAATGAATAATATTAGTTTTTGGTTATTACCTCCATCATTATTATTATTAGTATCATCTGCTATTGTGGAATCTGGTGCGGGTACAGGTTGGACTGTATATCCACCATTATCTAGTGTTCAAGCACACTCAGGACCTTCAGTAGATTTAGCTATTTTTAGTTTACATTTATCAGGTATTTCTTCATTATTAGGAGCAATTAATTTCTTATCAACTATTTATAATATGAGAGCTCCTGGTTTAAGTTTTCATAGATTACCTTTATTTGTTTGGGCTATATTTATTACAGCTTTCTTATTATTGTTAACTTTACCTGTATTAGCTGGTGCAATTACTATGTTATTAACTGATAGAAATTTAAATACTTCATTTTATGATCC

>MN099122 [organism=Lagenidium sp. 9] [CLONE=P3C] Uncultured Lagenidium sp. cytochrome c oxidase subunit 1 (cox1) gene, partial cds

ATGCGTTTATTATGATTTTCTTTATGGTTATGCCTGTATTAATCGGTGGTTTTGGTAACTGGTTTATACCTTTAATGATAGGTGCACCTGATATGGCTTTCCCAAGAATGAATAATATTAGTTTTTGGTTATTACCTCCATCATTATTATTATTAGTATCATCTGCTATTGTGGAATCTGGTGCGGGTACAGGTTGGACTGTATATCCACCATTATCTAGTGTTCAAGCACACTCAGGACCTTCAGTAGATTTAGCTATTTTTAGTTTACATTTATCAGGTATTTCTTCATTATTAGGAGCAATTAATTTCTTATCAACTATTTATAATATGAGAGCTCCTGGTTTAAGTTTTCATAGATTACCTTTATTTGTTTGGGCTATATTTATTACAGCTTTCTTATTATTGTTAACTTTACCTGTATTAGCTGGTGCAATTACTATGTTATTAACTGATAGAAATTTAAATACTTCATTTTATGATCC

>MN099123 [organism=Lagenidium sp. 10] [CLONE=P4A] Uncultured Lagenidium sp. cytochrome c oxidase subunit 1 (cox1) gene, partial cds

ATGCGTTTATTATGATTTTCTTTATGGTTATGCCTGTATTAATTGGTGGTTTTGGTAATTGGTTTATACCTTTAATGATTGGTGCCCCAGATATGGCTTTTCCAAGAATGAATAATATTAGTTTTCGGTTATTACCACCATCTTTATTATTATTAGTATCATCAGCTATAGTAGAATCAGGAGCAGGTACAGGTTGGACAGTATATCCACCTTTATCTAGTGTTCAAGCACACTCAGGACCTTCTGTAGATTTAGCTATTTTTAGTTTACATTTATCAGGTATTTCATCATTATTAGGTGCAATTAATTTTTTATCAACTATTTATAATATGAGAGCACCTGGTTTAAGTTTTCATAGATTGCCTTTATTTGTTTGGGCTACATTTATTACAGCTTTTTTATTATTATTAACATTACCTGTTTTAGCTGGTGCGATTACAATGTTATTAACTGATAGAAATTTAAATACTTCGTTTTATGATCC

>MN099124 [organism=Lagenidium sp. 11] [CLONE=P4B] Uncultured Lagenidium sp. cytochrome c oxidase subunit 1 (cox1) gene, partial cds

ATGCGTTTATTATGATTTTCTTTATGGTTATGCCTGTATTAATTGGTGGTTTTGGTAATTGGTTTATACCTTTAATGATTGGTGCCCCAGATATGGCTTTTCCAAGAATGAATAATATTAGTTTTCGGTTATTACCACCATCTTTATTATTATTAGTATCATCAGCTATAGTAGAATCAGGAGCAGGTACAGGTTGGACAGTATATCCACCTTTATCTAGTGTTCAAGCACACTCAGGACCTTCTGTAGATTTAGCTATTTTTAGTTTACATTTATCAGGTATTTCATCATTATTAGGTGCAATTAATTTTTTATCAACTATTTATAATATGAGAGCACCTGGTTTAAGTTTTCATAGATTGCCTTTATTTGTTTGGGCTACATTTATTACAGCTTTTTTATTATTATTAACATTACCTGTTTTAGCTGGTGCGATTACAATGTTATTAACTGATAGAAATTTAAATACTTCGTTTTATGATCC

>MN099125 [organism=Lagenidium sp. 12] [CLONE=P4C] Uncultured Lagenidium sp. cytochrome c oxidase subunit 1 (cox1) gene, partial cds

ATGCGTTTATTATGATTTTCTTTATGGTTATGCCTGTATTAATTGGTGGTTTTGGTAATTGGTTTATACCTTTAATGATTGGTGCCCCAGATATGGCTTTTCCAAGAATGAATAATATTAGTTTTCGGTTATTACCACCATCTTTATTATTATTAGTATCATCAGCTATAGTAGAATCAGGAGCAGGTACAGGTTGGACAGTATATCCACCTTTATCTAGTGTTCAAGCACACTCAGGACCTTCTGTAGATTTAGCTATTTTTAGTTTACATTTATCAGGTATTTCATCATTATTAGGTGCAATTAATTTTTTATCAACTATTTATAATATGAGAGCACCTGGTTTAAGTTTTCATAGATTGCCTTTATTTGTTTGGGCTACATTTATTACAGCTTTTTTATTATTATTAACATTACCTGTTTTAGCTGGTGCGATTACAATGTTATTAACTGATAGAAATTTAAATACTTCGTTTTATGATCC