

2) fwhF2_GCACTGG	0	5	5	4	5	7	5	4	6	6	6	6	4	3	6	6	4	6	7	6	5	5	5	4	5	5	7	7	6	5	6	7	6	5	5	4	5	
2B) fwhF2_AGAGGAG	5	0	5	4	5	5	5	5	7	5	5	5	4	7	6	6	7	6	6	5	4	6	6	5	6	6	4	5	6	5	6	7	6	4	4	3	4	
2C) fwhF2_TTAAGGA	5	5	0	1	1	5	7	6	6	6	7	7	4	5	4	7	5	7	4	5	5	6	7	7	7	7	7	5	5	5	6	6	4	5	5	6	6	6
2C) fwhF2_TTAAGGG	4	4	1	0	1	5	6	5	6	7	7	7	4	5	5	6	5	7	5	4	6	7	7	6	7	7	5	5	6	5	6	5	5	6	6	5	6	
2C) fwhF2_TTAAGGT	5	5	1	1	0	5	7	6	6	7	7	6	4	5	5	7	4	6	5	5	6	7	7	7	6	6	4	5	6	6	5	5	4	6	6	6	5	
8) mlCOIintF_ATTACAC	7	5	5	5	5	0	7	5	3	6	5	6	6	5	5	7	6	6	6	6	5	5	4	5	5	6	7	5	6	6	6	5	4	5	4	5	5	
8B) mlCOIintF_CCGGATG	5	5	7	6	7	7	0	6	6	6	6	6	7	7	5	3	7	3	6	5	4	5	5	4	5	4	5	5	7	6	7	5	5	7	7	6	7	
8C) mlCOIintF_AACCCGG	4	5	6	5	6	5	6	0	5	5	5	5	6	4	6	5	4	7	6	5	5	7	7	6	7	5	6	6	7	6	7	5	7	5	5	4	5	
14) BF3_CTTCCCC	6	7	6	6	6	3	6	5	0	5	4	5	6	4	5	5	7	4	6	6	6	5	4	5	5	5	5	7	5	5	5	6	6	7	6	7	7	
14B) BF3_GGCGCCA	6	5	6	7	7	6	6	5	5	0	1	1	5	5	6	6	5	5	6	7	4	6	7	7	7	6	4	5	4	5	5	5	6	6	6	7	7	7
14B) BF3_GGCGCCC	6	5	7	7	7	5	6	5	4	1	0	1	4	4	7	6	5	5	7	7	5	7	6	7	7	6	4	4	5	5	5	6	6	7	6	7	7	
14B) BF3_GGCGCCT	6	5	7	7	6	6	6	5	5	1	1	0	5	5	7	6	4	4	7	7	5	7	7	7	6	5	3	5	5	5	4	6	5	7	7	7	6	
14C) BF3_GGATGGC	4	4	4	4	4	6	7	6	6	5	4	5	0	4	7	6	5	7	5	5	6	6	5	6	6	7	5	4	5	5	5	7	6	5	4	5	5	
17) ArF5_GTCCTGC	3	7	5	5	5	5	7	4	4	5	4	5	4	0	5	7	3	7	7	7	7	6	5	6	6	6	6	5	6	6	6	7	5	6	5	6	6	
17B) ArF5_TTGCAAA	6	6	4	5	5	5	5	6	5	6	7	7	7	5	0	5	7	6	5	6	6	5	6	6	6	4	6	7	5	6	6	4	3	5	6	6	6	
17C) ArF5_CAGTACG	6	6	7	6	7	7	3	5	5	6	6	6	6	7	5	0	6	4	5	4	7	5	5	4	5	4	7	6	5	4	5	5	5	5	4	5		
2) fwhR2n_GACATGT	4	7	5	5	4	6	7	4	7	5	5	4	5	3	7	6	0	6	6	6	7	6	6	6	5	6	5	5	6	6	5	5	4	5	5	5	4	
2B) fwhR2n_CCTGACT	6	6	7	7	6	6	3	7	4	5	5	4	7	7	6	4	6	0	6	6	5	4	4	4	3	3	5	6	5	5	4	7	5	7	7	7	6	
2C) fwhR2n_TATTGTA	7	6	4	5	5	6	6	6	6	6	7	7	5	7	5	5	6	6	0	1	5	4	5	5	5	7	4	5	3	4	4	3	7	4	5	5	5	
2C) fwhR2n_TATTGTG	6	5	5	4	5	6	5	5	6	7	7	7	5	7	6	4	6	6	1	0	6	5	5	4	5	7	4	5	4	3	4	4	7	5	5	4	5	
Fol-degen-rev_ACAGCTA	5	4	5	6	6	5	4	5	6	4	5	5	6	7	6	7	7	5	5	6	0	5	6	6	6	5	5	5	6	6	7	7	4	7	4	5	5	5
Fol-degen-rev_CCTTTAA	5	6	6	7	7	5	5	7	5	6	7	7	6	6	5	5	6	4	4	5	5	0	1	1	1	6	7	6	3	4	4	6	6	3	4	4	4	
Fol-degen-rev_CCTTTAC	5	6	7	7	7	4	5	7	4	7	6	7	5	5	6	5	6	4	5	5	6	1	0	1	1	6	7	5	4	4	4	7	6	4	3	4	4	
Fol-degen-rev_CCTTTAG	4	5	7	6	7	5	4	6	5	7	7	7	6	6	6	4	6	4	5	4	6	1	1	0	1	6	7	6	4	3	4	7	6	4	4	3	4	
Fol-degen-rev_CCTTTAT	5	6	7	7	6	5	5	7	5	7	7	6	6	6	6	5	5	3	5	5	6	1	1	1	0	5	6	6	4	4	3	7	5	4	4	4	3	
Fol-degen-rev_ACGCACT	5	6	7	7	6	6	4	5	5	6	6	5	7	6	4	4	6	3	7	7	5	6	6	6	5	0	6	7	6	6	5	6	4	6	6	6	5	
15) BR2_TGCGGTT	7	4	5	5	4	7	5	6	7	4	4	3	5	6	6	7	5	5	4	4	5	7	7	7	6	6	0	3	5	5	4	5	6	7	7	7	6	
14A) BR2_CGCAGTC	7	5	5	5	5	5	5	6	5	5	4	5	4	5	7	6	5	6	5	5	6	6	5	6	6	7	3	0	6	6	6	5	6	7	6	7	7	
14B) BR2_TGTTTCA	6	6	5	6	6	6	7	7	5	4	5	5	5	6	5	5	6	5	3	4	6	3	4	4	4	6	5	6	0	1	1	5	7	4	5	5	5	
14B) BR2_TGTTTCG	5	5	6	5	6	6	6	6	5	5	5	5	5	6	6	4	6	5	4	3	7	4	4	3	4	6	5	6	1	0	1	6	7	5	5	4	5	
14B) BR2_TGTTTCT	6	6	6	6	5	6	7	7	5	5	5	4	5	6	6	5	5	4	4	4	7	4	4	4	3	5	4	6	1	1	0	6	6	5	5	5	4	
Fol-degen-rev_TAGACTA	7	7	4	5	5	5	5	5	6	5	6	6	7	7	4	5	5	7	3	4	4	6	7	7	7	6	5	5	5	6	6	0	5	5	6	6	6	
Fol-degen-rev_GTGAAAT	6	6	5	5	4	4	5	7	6	6	6	5	6	5	3	5	4	5	7	7	7	6	6	6	5	4	6	6	7	7	6	5	0	6	6	6	5	
Fol-degen-rev_AAATTAA	5	4	5	6	6	5	7	5	7	6	7	7	5	6	5	5	5	7	4	5	4	3	4	4	4	6	7	7	4	5	5	5	6	0	1	1	1	
Fol-degen-rev_AAATTAC	5	4	6	6	6	4	7	5	6	7	6	7	4	5	6	5	5	7	5	5	5	4	3	4	4	6	7	6	5	5	5	6	6	1	0	1	1	
Fol-degen-rev_AAATTAG	4	3	6	5	6	5	6	4	7	7	7	7	5	6	6	4	5	7	5	4	5	4	4	3	4	6	7	7	5	4	5	6	6	1	1	0	1	
Fol-degen-rev_AAATTAT	5	4	6	6	5	5	7	5	7	7	7	6	5	6	6	5	4	6	5	5	5	4	4	3	5	5	6	7	5	5	4	6	5	1	1	1	0	