

ATGAATCGAGTTCAGAATAGCGGAAACGAAAACGATCAAATCTTA 45

M N R V Q N S G N E N D Q I L 15

CGCATGTCTGCTAATGTGTCGAGATTAATAAATAGCCAACACGTT 90

R M S A N V S R L I N S Q H V 30

AGCAGACAAGACATTAACAAGCAGAAAGACTTTTAACAGAAATT 135

S R Q D I K Q A E R L L T E I 45

AACGAAAAAGTCAACAACGAATCTACGGCTTAG 168

N E K V N N E S T A * 55