

AATTTTATCGGCAATATAGTTAAAGTCGATGTATTCTTTATTTTTTTTCAAGTCACCACT 60  
 TCGAGTATAAAGATAAGTTTTGATGTAGTCCATATTTACTTTGATCGACTCTCGGCCGTT 120  
 CCTCAAATCATTGATATGTCTGCAGTATCTACTAATATTTAGCTGATATGTTTGTATT 180  
 TTCTTGCCAATAAAGATGATTTAGAATACTGTATTAATTTTTTAATGTTTCATTTTTTATAA 240  
 GCATATGTAAAAAATTGCTAATTAGGTATTTGTTATTTTTTTAAAATTTTACGATTTAAAT 300

**polyhedrin**

ATCTAAGTCAATGTATACTCGTTACAGTTACAGCCCTACTTTGGGCAAAACCTATGTGTAC 360  
 M Y T R Y S Y S P T L G K T Y V Y 17  
 GACAACAAATACTTTAAGAATTTAGGTGCTGTTATTAATAAATGCCAAACGCAAGAAGCAT 420  
 D N K Y F K N L G A V I K N A K R K K H 37  
 TTAGAGGAGCACGAACATGAAGAACGCAACTTGGATTGCTCGCTCGACAAATACTTGGTGGCG 480  
 L E E H E H E E R N L D S L D K Y L V A 57  
 GAAGATCCTTTTTTGGGACCCGGCAAAAATCAAAAATAACTTTGTTTAAAGAGATTTCGG 540  
 E D P F L G P G K N Q K L T L F K E I R 77  
 AGCGTTAAGCCCAGACACAATGAAGCTTGTAGTTAACTGGAGCGGTCGTGAATTTCTTCGC 600  
 S V K P D T M K L V V N W S G R E F L R 97  
 GAACTTGGACTCGTTTCATGGAAGAGAGTTTTCCCATTGTAAACGACCAAGAAATTATG 660  
 E T W T R F M E E S F P I V N D Q E J M 117  
 GACGTGTTCTGTCTGTTAATATGCGACCAACCAAACCGAACC GTTGTACCGATTCTTA 720  
 D V F L S V N M R P T K P N R C Y R F L 137  
 GCGCAACACGCTCTGCGTTGTGATCCCGACTATATTCCTCACGAAGTCATTCGTATTGTA 780  
 A Q H A L R C D P D Y I P H E V I R I V 157  
 GAACCTTCCTATGTAGGCAGTAACAACGAGTACAGAATTAGTTTAGCCAAAAAATACGGC 840  
 E P S Y V G S N N E Y R I S L A K K Y G 177  
 GGTTGTCCC GTTATGAACTTGCACGCTGAATACACTAATTCCTTTGAAGACTTCATTACC 900  
 G C P V M N L H A E Y T N S F E D F I T 197  
 AACGTAATTTGGGAGAACTTCTACAAACCAATTGTTTACGTAGGCACTGATTCTGCCGAA 960  
 N V I W E N F Y K P I V Y V G T D S A E 217

GAAGAGGAAATACTCCTAGAGGTTTCTTTGATATTTAAGATCAAAGAATTTGCACCTGAC 1020

E E E I L L E V S L I F K I K E F A P D 237

GCTCCGCTATACTGGTCCTGCATAT**TAA**GGGAATTCGCTCCCGACGCGCCTCTGTATTC 1080

A P L Y T G P A Y \* 246

CGGCCAGCATACTAAGCCGTAGATTCGTTGTTGACTTTTTTCGTTAATTTCTGTTAAAAG 1140

TCTTTCTGCTTGTTAATGTCTTGCTGCTAACGTGTTGGCTATTTATTAATCTCGACAC 1200

ATTAGCAGACATGCGTAAGATTTGATCGTTTTTCGTTCCGCTATTCTGAACTCGATTCAT 1260

AGTGTTTAAATACTTATTTTTGACGGTTTCCACCTCATTGTCGCTGATCCAATCATTATT 1320

GTCTTCGGAAAACGAATCCTCATTACCGGTGCTCTCGGCTAGCGCTTTTACTCTTTTTGC 1380

CAGGGCCAAATGCAATAC 1398